



Crash Course de R

Introdução ao R e comandos básicos

Prof. Carlos Trucíos

 ctruciosm.github.io

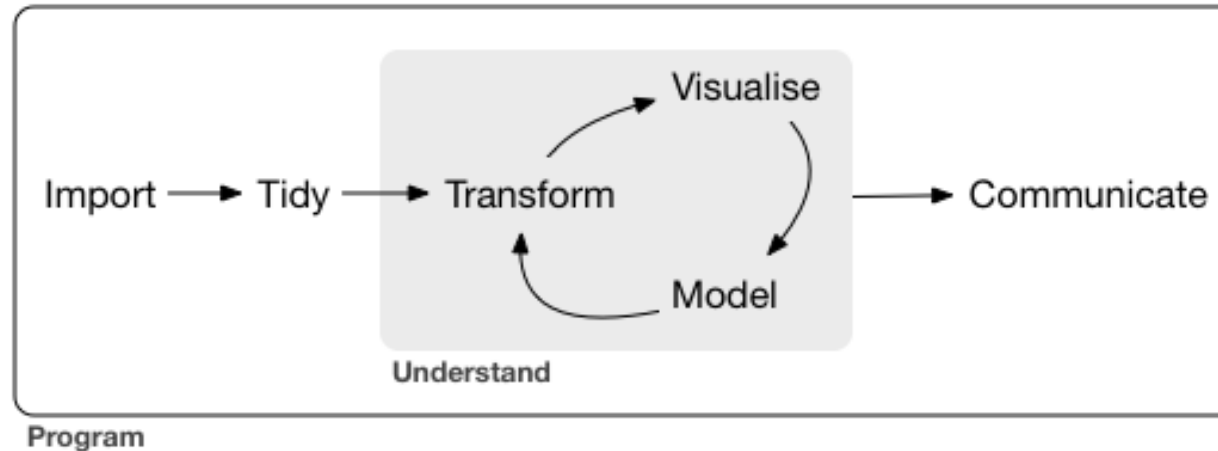
 carlos.trucios@facc.ufrj.br

Faculdade de Administração e Ciências Contábeis,
Universidade Federal de Rio de Janeiro

ctruciosm.github.io — Carlos Trucíos (FACC/UFRJ)

Introdução

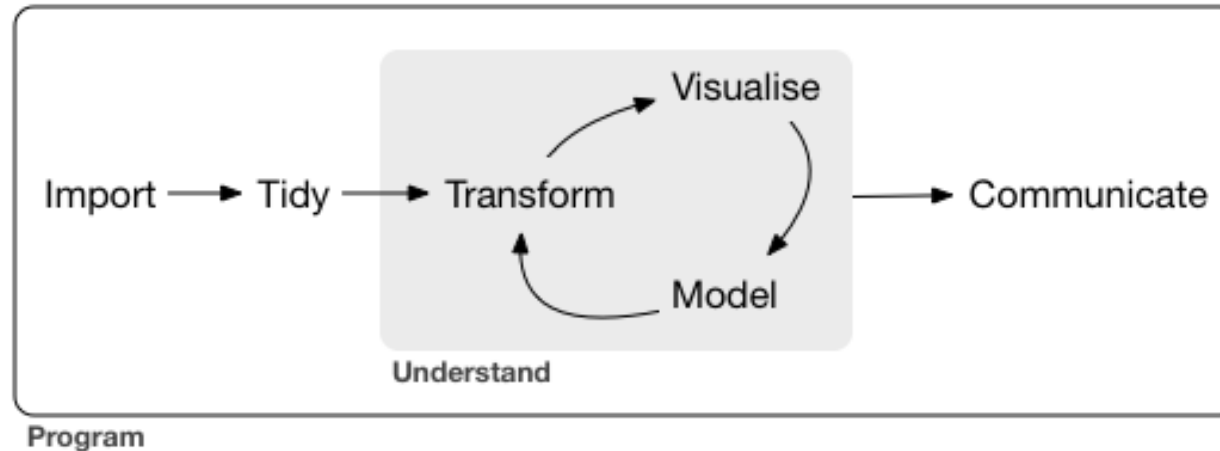
Introdução



Fonte: Livro R for Data Science

- **Importar** Trazer os dados contidos num arquivo, banco de dados, API, etc, para o R
- **Organizar (Tidy)** Armazenar os dados de uma forma que seja mais facil de se trabalhar. Cada coluna é uma variável e cada linha é uma observação
- **Transformar** selecionar o grupo de interesse, crear novas varáveis que são função das já existentes, agregar dados, etc

Introdução



Fonte: Livro R for Data Science

- **Visualisar** Fazer gráficos que nos permitam obter *insights* dos dados. Eventualmente podem trazer novas hipóteses ou mesmo mostrar que precisamos de mais/diferentes dados
- **Modelar** Utilizar um modelo matemático/estatístico/econométrico para responder às perguntas de interesse.
- **Comunicar** A parte final de todo projeto, onde os resultados e *insights* são apresentados.

Introdução

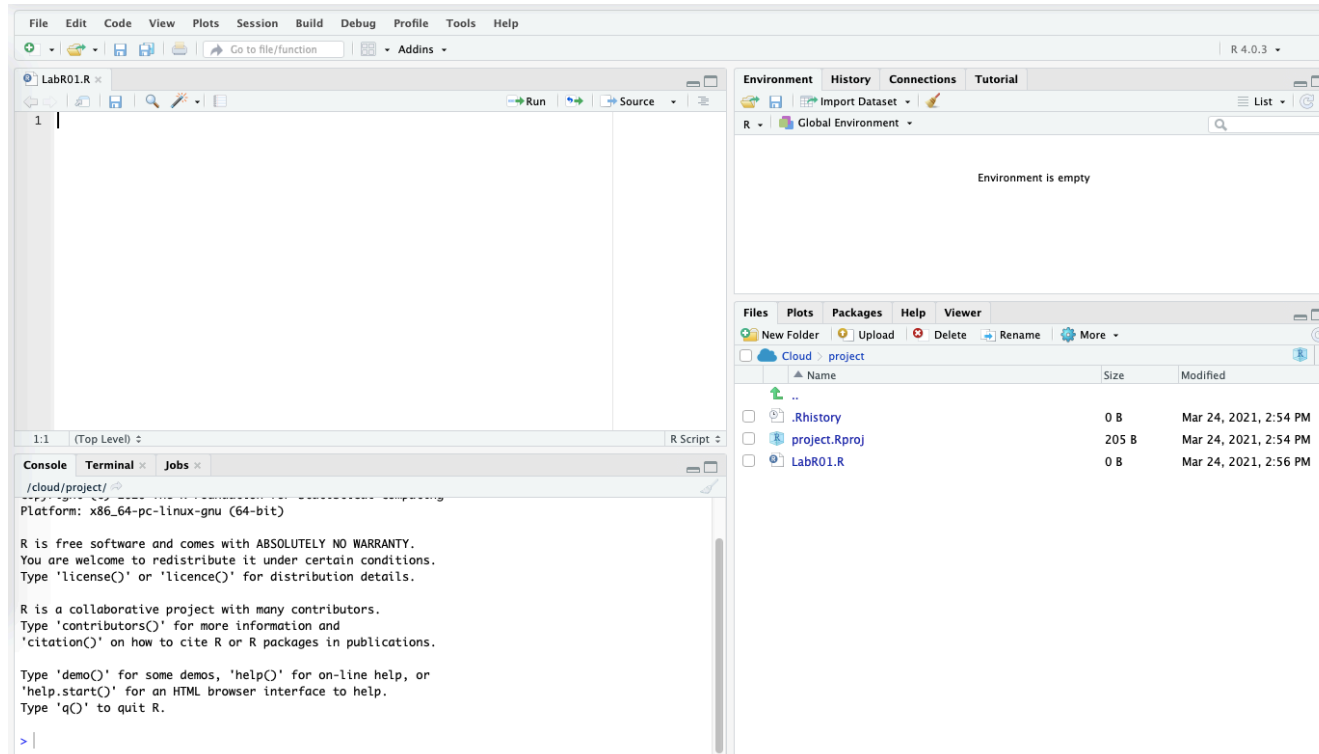
R is not just a programming language, but it is also an interactive environment for doing data science. Handley W.



- *R* é um *software* gratuito, fácil de usar e possui uma comunidade grande desenvolvendo pacotes novos todo dia.
- Sempre podemos utilizar o *R nativo*, mas uma IDE poderosa e muito útil é o *R studio*.
- Uma alternativa é utilizar o *R studio Cloud*, porém a versão gratuita tem certas limitações em tempo de processamento e capacidade de armazenamento.



Introdução



Rstudio Cloud

ctruciosm.github.io — Carlos Trucíos (FACC/UFRJ)

Instalando pacotes

Instalando pacotes

- Quando trabalhamos com *R* precisaremos constantemente instalar pacotes e carregá-los no *R*.
- Instalar pacotes é uma tarefa simples e pode ser feita com apenas uma linha de código:

```
install.packages("nome_do_pacote")
```

Uma vez o pacote esteja instalado, precisamos carregá-lo no *R*. Isto é feito com a seguinte linha de código:

```
library(nome_do_pacote)
```

Exemplo

```
install.packages("tidyverse")  
library(tidyverse)
```


Instalando pacotes

Hands-on:

1. Instalar o pacote tidyverse
2. Carregar o pacote tidyverse
3. Instalar os pacotes nycflights13, gapminder, Lahman
4. Carregar os pacotes nycflights13, gapminder, Lahman

Gabarito:

```
pacotes = c("nycflights13", "gapminder", "Lahman")
install.packages(pacotes)
library(nycflights13)
library(gapminder)
library(Lahman)
```

ctruciosm.github.io — Carlos Trucíos (FACC/UFRJ)

Comandos básicos

Comandos básicos

Rodar código no R não é fácil e intuitivo.

- Por exemplo podemos utilizá-lo como calculadora

```
2+4  
3-1  
4*5  
20/2  
2^3  
floor(2.99)  
sin(pi)  
cos(pi)  
tan(tan)  
sin(pi/2)^2 + cos(pi/2)^2
```

Comandos básicos

- Também podemos fazer cálculos mais interessantes

```
peso <- c(66, 75.3, 82.1, 51.5, 72, 71.7, 68.2, 70)  
sum(peso)      # soma
```

```
## [1] 556.8
```

```
mean(peso)     # média
```

```
## [1] 69.6
```

```
median(peso)   # mediana
```

```
## [1] 70.85
```

```
sd(peso)       # desvio padrão
```

```
## [1] 8.796103
```

Comandos básicos

Hands-on:

1. Escreva os seguintes comandos:
 - `10 %% 2`,
 - `10 %% 3`,
 - `11 %% 3`
 - Descubriu o que o operador `%%` faz?
2. O que o operado `%/%` faz?
3. O seguinte vetor contém as notas da P_1 de alunos de uma determinada matéria na UFRJ

```
notas <- c(9.4, 8.5, 8.4, 5.2, 7.5, 7.4, 7.9, 7.4, 7.5, 7.5, 5.5, 9.1, 7, 7.4, 6, 9, 9.4)
```

Calcule: `min()`, `max()`, `sum()`, `length()`, `sum()/length()`, `mean()`, `median()`, `sd()`, `var()`

```
c(min(notas), max(notas), sum(notas), length(notas), sum(notas)/length(notas), mean(notas), median(notas), sd(nc
```

```
## [1] 5.200000 9.400000 130.100000 17.000000 7.652941 7.652941 7.500000  
## [8] 1.260515 1.588897
```

Vetores e matrizes no R

- **vetores:** um vetor é conjunto de objetos do mesmo tipo, vetores no *R* são definidos utilizando `c()`.

```
x <- c(1, 2, 3, 4, 5)  
x
```

```
## [1] 1 2 3 4 5
```

vetores podem ser de vários tipos:

- logical
- character
- integer
- double



Vetores e matrizes no R

```
# Lógicos  
x_logical <- c(TRUE, FALSE, FALSE, TRUE)  
x_logical
```

```
## [1] TRUE FALSE FALSE TRUE
```

```
typeof(x_logical)
```

```
## [1] "logical"
```

```
# Character (texto)  
x_character <- c("Elisa", "Lucas", "Brenda", "Caio")  
x_character
```

```
## [1] "Elisa" "Lucas" "Brenda" "Caio"
```

```
typeof(x_character)
```

```
## [1] "character"
```

Vetores e matrizes no R

```
# numéricos (inteiros)
x_int <- c(1, 2, 3, 4, 5) # teste também com c(1L, 2L, 3L, 4L, 5L)
x_int
```

```
## [1] 1 2 3 4 5
```

```
typeof(x_int)
```

```
## [1] "double"
```

```
# numéricos (reais)
x_double <- c(1.5, 2.42, 3.76423, 0.434, 5.2)
x_double
```

```
## [1] 1.50000 2.42000 3.76423 0.43400 5.20000
```

```
typeof(x_double)
```

```
## [1] "double"
```


Vetores e matrizes no R

```
x_numeric <- c(1, 0.444, 3, 4.5, pi)
typeof(x_numeric)
```

```
## [1] "double"
```

```
x_mix <- c(TRUE, pi, 3, "Carlos")
typeof(x_mix)
```

```
## [1] "character"
```

```
x_mix
```

```
## [1] "TRUE"          "3.14159265358979" "3"          "Carlos"
```

para descobrir o número de elementos no vetor, utilizamos `length()`.

```
length(x_mix)
```

```
## [1] 4
```

Vetores e matrizes no R

- Se quisermos algum elemento do vetor, basta selecionar com `[i]` o elementos desejado.

```
x_double
```

```
## [1] 1.50000 2.42000 3.76423 0.43400 5.20000
```

```
x_double[2]
```

```
## [1] 2.42
```

```
x_double[1:4]
```

```
## [1] 1.50000 2.42000 3.76423 0.43400
```

```
x_double[c(1,3,5)]
```

```
## [1] 1.50000 3.76423 5.20000
```

Vetores e matrizes no R

- Se quisermos alterar um elemento do vetor:

```
x_double
```

```
## [1] 1.50000 2.42000 3.76423 0.43400 5.20000
```

```
x_double[2] <- 2.5  
x_double
```

```
## [1] 1.50000 2.50000 3.76423 0.43400 5.20000
```

- Se quisermos alterar o tipo de vetor:

```
as.character(x_double)
```

```
## [1] "1.5"      "2.5"      "3.76423" "0.434"   "5.2"
```

outras opções são: `as.numeric()`, `as.factor()`, `as.logical()`

Vetores e matrizes no R

- **matrizes:** uma matriz é uma coleção de elementos organizados em duas dimensões, no R para criar matrizes utilizamos `matrix()`.

```
A <- matrix(c(1,2,3,4,5,6), nrow = 2, ncol = 3)
A
```

```
##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    3    5
## [2,]    2    4    6
```

```
A <- matrix(c(1,2,3,4,5,6), nrow = 2, ncol = 3, byrow = TRUE)
A
```

```
##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    2    3
## [2,]    4    5    6
```

Vetores e matrizes no R

Se quisermos saber as dimensões da matriz, utilizamos `dim()` e se quisermos especificamente o número de linhas ou de colunas, utilizamos `nrow()` e `ncol()`.

```
dim(A)
```

```
## [1] 2 3
```

```
ncol(A)
```

```
## [1] 3
```

```
nrow(A)
```

```
## [1] 2
```

Vetores e matrizes no R

Se quisermos selecionar alguns elementos da matriz

```
A[1,1]
```

```
## [1] 1
```

```
A[1:2,c(1,3)]
```

```
##      [,1] [,2]  
## [1,]    1    3  
## [2,]    4    6
```

Se quisermos alterar alguns elementos da matriz:

```
A[1,2] <- 9  
A
```

```
##      [,1] [,2] [,3]  
## [1,]    1    9    3  
## [2,]    4    5    6
```



Operações com matrizes

```
A
```

```
##      [,1] [,2] [,3]  
## [1,]    1    9    3  
## [2,]    4    5    6
```

```
# Transposta  
t(A)
```

```
##      [,1] [,2]  
## [1,]    1    4  
## [2,]    9    5  
## [3,]    3    6
```

```
# Inversa  
solve(A[1:2,1:2])
```

```
##      [,1]      [,2]  
## [1,] -0.1612903  0.29032258  
## [2,]  0.1290323 -0.03225806
```



Operações com matrizes

```
A[1:2,1:2] %*% solve(A[1:2,1:2])
```

```
##      [,1]      [,2]  
## [1,]    1 5.551115e-17  
## [2,]    0 1.000000e+00
```

```
# Multiplicação de matrizes  
B <- matrix(c(1,2,3,4,5,6), nrow = 3, ncol = 3)  
A%*%B
```

```
##      [,1] [,2] [,3]  
## [1,]   28   67   28  
## [2,]   32   77   32
```

```
A%*%A # funciona?
```




Vetores e matrizes no R

Listas no R

Listas: São objetos que contém outros objetos (que podem ser de tipos diferentes). Para criar uma lista utilizamos o comando `list()`.

```
list_data <- list("Vermelho", c(1,5,7), TRUE, 51.23, A)
print(list_data)
```

```
## [[1]]
## [1] "Vermelho"
##
## [[2]]
## [1] 1 5 7
##
## [[3]]
## [1] TRUE
##
## [[4]]
## [1] 51.23
##
## [[5]]
##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    9    3
## [2,]    4    5    6
```



Outras estruturas no R

Existem outras estruturas no R como arrays (`array()`), fatores (`factor()`), séries temporais (`ts()`), data frames (`data.frame()`). Iremos conhecendo elas a medida que formos precisando.

Hands-on:

A função `rnorm()` gera números aleatórios de uma distribuição $N(0, 1)$.

1. Crie um vetor `x_normal` formado por 4 elementos de uma distribuição normal padrão.
2. Crie uma matrix `M` com 3 colunas, em que os elementos são os elementos contidos em `x_normal`
3. Calcule `M * M` e `M %*% M`, o que acontece? qual é diferença entre essas operações?.



Vetores e matrizes no R

Gabarito:

```
x_normal <- rnorm(4)
M <- matrix(x_normal, ncol = 2)
M
```

```
##           [,1]      [,2]
## [1,] -0.3359412 -0.3839961
## [2,]  2.4111777 -0.1801516
```

```
M*M
```

```
##           [,1]      [,2]
## [1,]  0.1128565  0.14745299
## [2,]  5.8137777  0.03245461
```

```
M%*%M
```

```
##           [,1]      [,2]
## [1,] -0.8130263  0.1981776
## [2,] -1.2443914 -0.8934282
```



Comentários finais

- A gente consegue conhecer como funciona qualquer função utilizando o comando

```
help(nome_da_funcao)
```

Para praticar em casa

1. Crie um vetor chamado `x_uniforme` que contenha 100 números aleatórios de uma distribuição uniforme $U_{[5,10]}$ (dica: veja o `help(runif)`).
2. O que acontece se fizermos `log(x_uniforme)`?
3. Crie um vetor chamado `x_chi` que contenha 100 números aleatórios de uma distribuição chi-quadrado com 1 grau de liberdade χ_1^2 (dica: veja o `help(rchisq)`).
4. Some `x_uniforme` com `x_chi`, chame o vetor resultante como `x_soma`
5. Aplique a função `floor()` no vetor `x_soma`
6. Um número é par se ele é divisível por 2, quantos números pares temos em `x_soma`? (dica: o operador `%%` e a função `sum()` podem ajudar)
7. Para que serve a função `set.seed()`?



Algumas funções úteis

As seguintes Tabelas foram extraídos do livro *R for Beginners* do *Emmanuel Paradis*

<code>sum(x)</code>	sum of the elements of <code>x</code>
<code>prod(x)</code>	product of the elements of <code>x</code>
<code>max(x)</code>	maximum of the elements of <code>x</code>
<code>min(x)</code>	minimum of the elements of <code>x</code>
<code>which.max(x)</code>	returns the index of the greatest element of <code>x</code>
<code>which.min(x)</code>	returns the index of the smallest element of <code>x</code>
<code>range(x)</code>	id. than <code>c(min(x), max(x))</code>
<code>length(x)</code>	number of elements in <code>x</code>
<code>mean(x)</code>	mean of the elements of <code>x</code>
<code>median(x)</code>	median of the elements of <code>x</code>
<code>var(x)</code> or <code>cov(x)</code>	variance of the elements of <code>x</code> (calculated on $n - 1$); if <code>x</code> is a matrix or a data frame, the variance-covariance matrix is calculated
<code>cor(x)</code>	correlation matrix of <code>x</code> if it is a matrix or a data frame (1 if <code>x</code> is a vector)
<code>var(x, y)</code> or <code>cov(x, y)</code>	covariance between <code>x</code> and <code>y</code> , or between the columns of <code>x</code> and those of <code>y</code> if they are matrices or data frames
<code>cor(x, y)</code>	linear correlation between <code>x</code> and <code>y</code> , or correlation matrix if they are matrices or data frames

<code>round(x, n)</code>	rounds the elements of <code>x</code> to <code>n</code> decimals
<code>rev(x)</code>	reverses the elements of <code>x</code>
<code>sort(x)</code>	sorts the elements of <code>x</code> in increasing order; to sort in decreasing order: <code>rev(sort(x))</code>
<code>rank(x)</code>	ranks of the elements of <code>x</code>



Algumas funções úteis

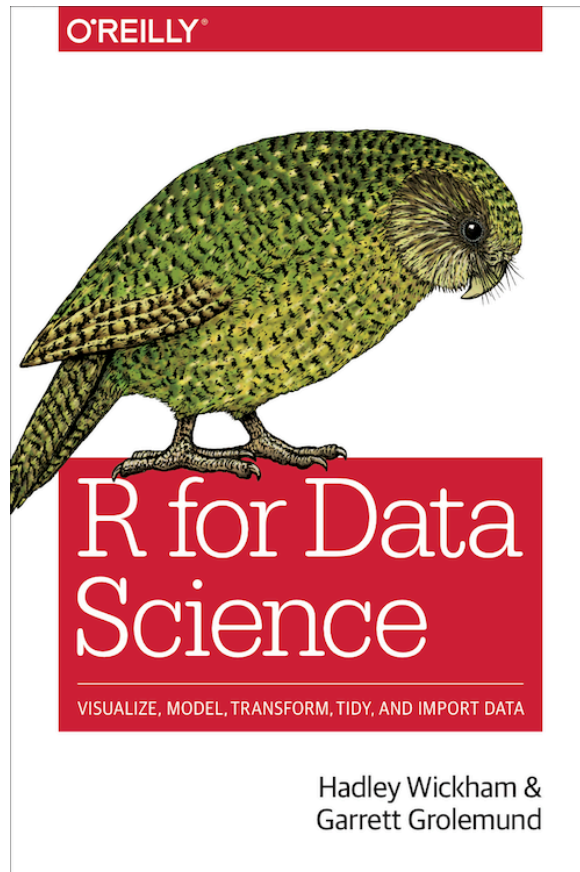
<code>log(x, base)</code>	computes the logarithm of <code>x</code> with base <code>base</code>
<code>scale(x)</code>	if <code>x</code> is a matrix, centers and reduces the data; to center only use the option <code>center=FALSE</code> , to reduce only <code>scale=FALSE</code> (by default <code>center=TRUE, scale=TRUE</code>)
<code>pmin(x,y,...)</code>	a vector which <code>i</code> th element is the minimum of <code>x[i], y[i], ...</code>
<code>pmax(x,y,...)</code>	id. for the maximum
<code>cumsum(x)</code>	a vector which <code>i</code> th element is the sum from <code>x[1]</code> to <code>x[i]</code>
<code>cumprod(x)</code>	id. for the product
<code>cumin(x)</code>	id. for the minimum
<code>cummax(x)</code>	id. for the maximum
<code>match(x, y)</code>	returns a vector of the same length than <code>x</code> with the elements of <code>x</code> which are in <code>y</code> (<code>NA</code> otherwise)
<code>which(x == a)</code>	returns a vector of the indices of <code>x</code> if the comparison operation is true (<code>TRUE</code>), in this example the values of <code>i</code> for which <code>x[i] == a</code> (the argument of this function must be a variable of mode logical)
<code>choose(n, k)</code>	computes the combinations of <code>k</code> events among <code>n</code> repetitions = $n! / ((n-k)!k!)$
<code>na.omit(x)</code>	suppresses the observations with missing data (<code>NA</code>) (suppresses the corresponding line if <code>x</code> is a matrix or a data frame)
<code>na.fail(x)</code>	returns an error message if <code>x</code> contains at least one <code>NA</code>
<code>unique(x)</code>	if <code>x</code> is a vector or a data frame, returns a similar object but with the duplicate elements suppressed
<code>table(x)</code>	returns a table with the numbers of the different values of <code>x</code> (typically for integers or factors)
<code>table(x, y)</code>	contingency table of <code>x</code> and <code>y</code>
<code>subset(x, ...)</code>	returns a selection of <code>x</code> with respect to criteria (... , typically comparisons: <code>x\$V1 < 10</code>); if <code>x</code> is a data frame, the option <code>select</code> gives the variables to be kept (or dropped using a minus sign)
<code>sample(x, size)</code>	resample randomly and without replacement <code>size</code> elements in the vector <code>x</code> , the option <code>replace = TRUE</code> allows to resample with replacement



Algumas funções úteis

law	function
Gaussian (normal)	<code>rnorm(n, mean=0, sd=1)</code>
exponential	<code>rexp(n, rate=1)</code>
gamma	<code>rgamma(n, shape, scale=1)</code>
Poisson	<code>rpois(n, lambda)</code>
Weibull	<code>rweibull(n, shape, scale=1)</code>
Cauchy	<code>rcauchy(n, location=0, scale=1)</code>
beta	<code>rbeta(n, shape1, shape2)</code>
'Student' (t)	<code>rt(n, df)</code>
Fisher-Snedecor (F)	<code>rf(n, df1, df2)</code>
Pearson (χ^2)	<code>rchisq(n, df)</code>
binomial	<code>rbinom(n, size, prob)</code>
multinomial	<code>rmultinom(n, size, prob)</code>
geometric	<code>rgeom(n, prob)</code>
hypergeometric	<code>rhyper(nn, m, n, k)</code>
logistic	<code>rlogis(n, location=0, scale=1)</code>
lognormal	<code>rlnorm(n, meanlog=0, sdlog=1)</code>
negative binomial	<code>rnbinom(n, size, prob)</code>
uniform	<code>runif(n, min=0, max=1)</code>
Wilcoxon's statistics	<code>rwilcox(nn, m, n), rsignrank(nn, n)</code>

Quer saber mais do R?



Livro: **R for Data Science**

Um breve comentário do livro no meu
blog